





報道発表資料

2024年7月9日 東京慈恵会医科大学 京都大学 東邦大学

発生・発がんを制御する Hedgehog シグナルの 新たな活性化機構と責任分子(リン酸化酵素: DYRK2)を同定 ~希少がんを対象に含む次世代抗がん剤創薬への新たな道を開く~

東京慈恵会医科大学 生化学講座の吉田彩舟講師(現 東邦大学 理学部)と吉田清嗣教授らの研究グループは、京都大学ならびに東邦大学と共同で、発生や発がんを制御する Hedgehog シグナル(注 1)の新たな活性化機構とその責任分子(リン酸化酵素: DYRK2)を同定しました。

Hedgehog シグナルの異常活性化は、奇形疾患の発症だけでなく、基底細胞がんや髄芽腫をはじめとする腫瘍形成を促進します。現在、2種類の Hedgehog 阻害薬が、アメリカ食品医薬品局(FDA)に承認され、抗がん剤として使用されています。しかし、これら現行薬は、標的とする Smoothened (SMO)(注2)遺伝子に対し、投与患者の約 20%で、薬剤耐性、かつ、がんを促進する遺伝子変異を誘導します。したがって、これら変異を獲得した患者では、現行薬が不応となることが問題となっていました。

また、SMOよりも下流の制御機序の解明が、新たな創薬ターゲットの創出につながると考えられますが、その内部のメカニズムは明らかにされていませんでした。

本研究成果の概要

本研究では、複数のオミックス解析 $^{(\pm 3)}$ を駆使し、ブラックボックスであった SMO 下流の Hedgehog シグナル活性化機構とその責任分子(リン酸化酵素: DYRK2)の解明に成功しました。発生や奇形疾患 に関わる Hedgehog シグナルの基礎的理解のみならず、現行薬不応な変異を有するがん患者にも有効な「次世代 Hedgehog 阻害薬(抗がん剤)」の開発へ応用が期待されます。

本研究から得られた主な成果は以下のものです。

- ・ 一次繊毛 $^{(\pm 4)}$ に局在するリン酸化酵素 DYRK2 が、Hedgehog シグナルの活性化に強く寄与することを見出しました。
- ・ Hedgehog リガンド刺激による SMO の活性化に依存して、DYRK2 は Hedgehog シグナル制御の中核を担う転写因子 GLI2/GLI3 をリン酸化することを見出しました。
- ・ DYRK2 によるリン酸化は、GLI2/GLI3 を活性型への変換と核移行を促進し、Hedgehog シグナル を活性化することを明らかにしました。
- ・ 細胞増殖の低下に起因した奇形を示す *Dyrk2* ノックアウトマウスの初代培養細胞に対し、DYRK2 によるリン酸化をミミックした GLI2 遺伝を導入することで、Hedgehog シグナルと細胞増殖の回復を誘導することに成功しました。

今後の取り組み

今回の研究成果に基づき、次世代 Hedgehog 阻害薬の開発に向け、「AMED 橋渡し研究プログラム 慶應拠点シーズ A (代表:吉田彩舟)」の支援のもと研究を展開しています。

本研究成果は、「Proceedings of the National Academy of Sciences of the United States of America」に7月5日に掲載されました。

論文情報

雜誌名: Proceedings of the National Academy of Sciences of the United States of America

論文タイトル: Positive regulation of Hedgehog signaling via phosphorylation of GLI2/GLI3 by DYRK2 kinase

Doi: 10.1073/pnas.2320070121.

著者: Saishu Yoshida (吉田彩舟)^{1,*}, Akira Kawamura (河村明良)¹, Katsuhiko Aoki (青木勝彦)², Pattama Wiriyasermkul^{3,4}, Shinya Sugimoto (杉本真也)^{5,6,7}, Junnosuke Tomiyoshi (富吉淳之介)¹, Ayasa Tajima (田島彩沙)^{3,8}, Yamato Ishida (石田大和)⁹, Yohei Katoh (加藤洋平)⁹, Takehiro Tsukada (塚田岳大)¹⁰, Yousuke Tsuneoka (恒岡洋右)¹¹, Kohji Yamada (山田幸司)¹, Shushi Nagamori (永森收志)^{3,4}, Kazuhisa Nakayama (中山和久)⁹, and Kiyotsugu Yoshida (吉田清嗣)^{1,*}
*責任著者

- 1 東京慈恵会医科大学 生化学講座
- 2東京慈恵会医科大学 アイソトープ実験研究施設
- 3 東京慈恵会医科大学 SI 医学応用研究センター
- 4 東京慈恵会医科大学 臨床検査医学講座
- 5 東京慈恵会医科大学 細菌学講座
- 6 東京慈恵会医科大学 バイオフィルム研究センター
- 7東京慈恵会医科大学 アミロイド制御研究室
- 8 東京慈恵会医科大学 分子生物学講座
- 9京都大学大学院 薬学研究科
- 10 東邦大学 理学部 生物分子科学科
- 11 東邦大学 医学部 解剖学講座微細形態学部門

本研究の一部は、文部科学省科学研究補助金(基盤研究 B、基盤研究 C、挑戦的研究[萌芽])、武田科学振興財団、上原記念生命科学財団、山口内分泌疾患研究振興財団、東京慈恵会医科大学などの助成を受けて行われました。

【本研究内容についてのお問い合わせ先】

東邦大学理学部生物分子科学科・講師・吉田彩舟 電話 047-472-1158 メール saishu.yoshida@sci.toho-u.ac.jp

【報道機関からのお問い合わせ窓口】

学校法人慈恵大学 経営企画部 広報課 電話 03-5400-1280 メール koho@jikei.ac.jp

京都大学 渉外・産官学連携部広報課国際広報室

電話 075-753-5728 FAX 075-753-2094 メール comms@mail2.adm.kyoto-u.ac.jp

学校法人東邦大学 法人本部経営企画部

電話 03-5763-6583 メール press@toho-u.ac.jp

【用語説明】

(注 1) Hedgehog(Hh)シグナル

正常な組織発生に必須で、ショウジョウバエからヒトまで進化的に保存されたシグナル系。哺乳類では、 受容体が一次繊毛上に存在し、一次繊毛に強く依存した伝達様式を示す。組織発生だけでなく、生後は発 がんにも関与する。

(注 2) Smoothened (SMO)

Hedgehog シグナルの活性化に関わり、構造類似性から G タンパク質共役受容体(GPCR)に分類される 7 回膜貫通タンパク質。Hedgehog リガンドが別の膜貫通型タンパク質である Patched に結合することで、 SMO が一次繊毛にリクルートされる。FDA で承認されている現行の Hedgehog 阻害薬(Vismodegib, Sonidegib)の標的分子である。

(注3) オミックス(omics)解析

生体内分子を網羅的に解析すること。本研究では、転写物 mRNA を対象とする「トランスクリプトーム」、ならびに、タンパク質を中心とした生体内分子間の相互作用を対象とする「インタラクトーム」を実施。

(注4) 一次繊毛

ほぼ全ての細胞に存在する突起状の細胞小器官(オルガネラ)。Hedgehog シグナルを含む、多くの受容体が局在し、細胞が外部環境を感知するアンテナとしての機能を担っている。

研究の詳細

【背景】

Hedgehog(Hh)シグナルは、発生過程において重要な役割を担います。その異常な活性化は、奇形疾患のみならず、広域ながん種において、発がんを促進することが知られています。特に、基底細胞がんや小児の希少がんである髄芽腫は、代表的な Hedgehog シグナル依存性のがんとして理解されています。

現在、抗がん剤として Hedgehog シグナル阻害薬である Vismodegib (2012年承認)と Sonidegib (2015年承認)が、 FDA で承認されています。これら現行薬は、G タンパク質共役受容体である Smoothened (SMO)を標的とし、強力な抗腫瘍効果を示します。しかし、投与患者の約 20%において、数年以内に「薬剤耐性かつ Oncogenic な SMO 遺伝子変異」を誘導することが明らかになってきました。したがって、これら現行薬不応の変異を有する患者に対しても、有効な治療薬の開発が求められています。

Hedgehog シグナル経路のブラックボックス

Hedgehog シグナルの中核的な制御は「転写因子 GLI2/GLI3」が担っています。これまでの研究から、Hedgehog シグナルの「抑制機序」は分子レベルで詳細に解明されてきました。しかし、「活性化機序」は不明な点が多く、特に、活性化した SMO の下流で、GLI2/GLI3 を活性型に変換する機序、ならびにその責任分子は未解明であり、ブラックボックスとして提唱されていました。

ブラックボックスである SMO 下流の Hedgehog シグナル活性化機構とその責任分子の解明が、SMO の変異に依存しない新たな Hedgehog 阻害薬の創薬シーズを生み出すと考えられます。

【研究手法と成果】

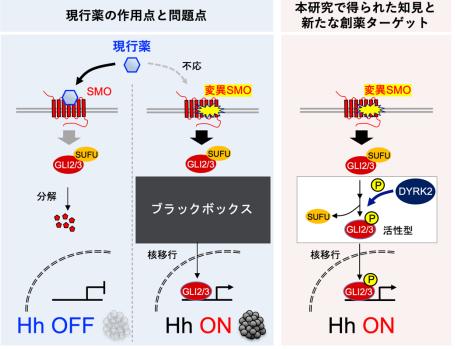
そこで、本研究では、トランスクリプトームやインタラクトーム解析を組み合わせたマルチオミックス解析を駆使し、Hedgehog シグナル活性化機構におけるブラックボックスの解消を目指しました。

本研究から得られた主な成果は以下のものです。

- ・ トランスクリプトーム解析ならびにノックアウトマウスを用いた解析から、一次繊毛^(注 4)に局在する分子の中でも、リン酸化酵素 DYRK2 が Hedgehog シグナルの活性化に強く寄与することを見出しました。
- ・ インタラクトーム解析から、DYRK2 のリン酸化基質として、Hedgehog シグナル制御の中核を担う転写因子 GLI2/GLI3 を同定しました。さらに、GLI2/GLI3 分子内の進化的に保存されたリン酸化サイト(GLI2^{S252}/GLI3^{S313})を同定しました。
- ・ DYRK2 による GLI2/GLI3 のリン酸化は、Hedgehog リガンド刺激による SMO の活性化に依存して誘導されることを見出しました。
- ・ リン酸化 GLI2^{S252}/GLI3^{S313} の生物学的意義を解析した結果、DYRK2 によるリン酸化は、GLI2/GLI3 から抑制性のアダプターである SUFU を解離させ、活性型 GLI2/GLI3 として核移行を促進し、Hedgehog シグナルを活性化することを明らかにしました。
- ・ Dyrk2ノックアウトマウスは細胞増殖の低下に起因した四肢の低形成を示します。そこで、Dyrk2

ノックアウトマウスの四肢原基から調製した初代培養細胞に、GLI2^{S252}のリン酸化をミミックしたコンストラクトを発現させることで、細胞増殖が回復することを確認しました。

以上のことから、DYRK2 は、Hedgehog リガンド依存的に、SMO 下流で GLI2/GLI3 の活性型変換と核移行を促進し、Hedgehog シグナルを活性化する新規な制御因子であることを明らかにしました。



【今後の応用、展開】

本研究から、ブラックボックスであった SMO 下流の Hedgehog シグナル活性化機構とその責任分子 DYRK2 を同定しました。発生や奇形疾患に重要な Hedgehog シグナル伝達経路の基礎的原理の理解 に貢献することが期待されます。

さらに、現行の Hedgehog 阻害薬は、薬剤耐性ならびに Oncogenic な SMO 遺伝子変異を誘導するという問題点があります。本研究で明らかとなった SMO 下流の Hedgehog 活性化機構を標的とすることで、現行薬へ不応な変異を有する患者にも有効な「次世代の Hedgehog 阻害薬開発」が可能になると期待されます。